

# 2× T5 Super PCR Mix (Colony) T5菌P专家

DLP102

本产品为2×浓度的快速扩增PCR预混液,产品中所含的T5 DNA Polymerase 是新型DNA聚合酶,由经过改造的Tag DNA聚合酶融合Sso7d DNA-Binding结构域而得来,具有极高的扩增速度与稳定性。反应缓冲液针对菌落/菌 液PCR优化,适合各种微生物来源的模板,是PCR鉴定实验的理想选择。

本产品包含合适浓度的Mg2+、DNA聚合酶和dNTPs,使用时只需添加模板 和引物,并补水至1×浓度即可进行反应。产品中包含上样缓冲液,扩增产物 无需额外添加Loading Buffer即可直接点样电泳。本产品扩增产物3'端为粘 末端,若纯化后用于TA克隆,推荐使用黏末端TA克隆试剂盒(目录号: DLV102)。

组分	规格
2× T5 Super PCR Mix (Colony)	5×1.0 mL
5× Enhancer Buffer	2×1.0 mL

## 产品应用

适用于克隆鉴定、以微生物为模板的直接扩增、常规模板扩增等实验。

- · 超快的延伸速度:快速扩增型T5 DNA Polymerase,延伸速度达10 s/kb;
- ·极强的耐热性:98℃热处理1 h酶活性无明显变化;
- 优异的稳定性:优化的反应缓冲液,扩增高效、稳定。

## 1.推荐PCR反应体系

组分	25 µL体系	50 µL体系	终浓度
2× T5 Super PCR Mix (Colony)	12.5 μL	25 μL	1×
10 μM上游引物	1 μL	2 μL	0.4 μΜ
10 μM下游引物	1 μL	2 μL	0.4 μΜ
模板DNA <sup>a</sup>	见标注	见标注	
ddH <sub>2</sub> O	Up to 25 μL	Up to 50 μL	

#### a.模板推荐量:

菌液,推荐用量为1~3 uL;

菌落,推荐直接挑取单菌落置于反应液中或将菌落溶解于10~20 uL无菌 水中,吸取1~2 μL为模板;

常规基因组DNA,推荐用量为50~250 ng;

质粒与λDNA等简单模板,推荐用量为5 pg~50 ng。

过量的模板会导致非特异性扩增,过少的模板易导致PCR扩增效率低。

#### 2.推荐PCR反应程序

步骤	温度	时间	循环数
预变性"	98° <b>C</b>	2~5 min	1
变性	98° <b>C</b>	10 s	
退火。	Tm+3~5°C	10~15 s	30~35 <sup>d</sup>
延伸。	72°C	10~15 s/kb	
终延伸	72°C	2 min	1
保存	4~12°C	∞	

- a. 预变性: 时间一般设置为2 min即可, 荫落/荫液PCR可延长至5 min, 以促 进细胞裂解进而释放DNA;
- b.退火温度:参考引物Tm值,建议设置为引物中Tm较小值+3~5℃;
- c.延伸时间:延伸速度为10~15 s/kb时可以满足大部分模板扩增需要,若模 板为复杂模板或者模板纯度较低,可以将延伸时间增加至30 s/kb;
- d.循环数:30个循环可满足大部分扩增需要,若想获得更多产物,可增加循 环数至35~40个。

### 3.扩增产物鉴定

扩增产物可直接进行琼脂糖凝胶电泳,无需添加Loading Buffer。

- ·若模板为基因组DNA等常规模板,可能出现较多非特异扩增,通过添加 5× Enhancer Buffer可有效改善该现象:
- •若样品为革兰氏阳性菌、真菌等难裂解样品时,可通过碱裂解等方法进行 样品预处理,以促进DNA释放,提高扩增成功率;
- ·PCR Mix应避免反复冻融,短期内多次使用可置于2~8°C保存。使用前,Mix 解冻后应充分混匀。

## 应用实例

## 1.大肠杆菌为模板的菌落/菌液PCR

## A.以含有T载体(分别插入1kb、5kb目的片段)的DH5α菌株为模板、各排取 5个菌落进行菌落PCR。

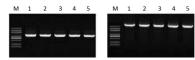
### PCR反应体系:

组分	50 µL体系
2× T5 Super PCR Mix (Colony)	25 μL
10 μM M13-47引物	2 μL
10 μM M13-48引物	2 μL
模板DNA	2 μL
ddH <sub>2</sub> O	Up to 50 μL

## PCR反应程序:

温度	时间	循环数
98°C	2 min	1
98°C	10 s	
55°C	10 s	30
72°C	10 s/kb	
72°C	2 min	1
4°C	00	

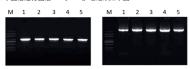
#### PCR扩增结果:



插入片段大小为1 kb

插入片段大小为5 kb

## B.以含有pET28a载体(分别插入1kb、5kb目的片段)的BL21(DE3)菌株,各 排取5个菌落进行菌落PCR。PCR扩增结果如下图:

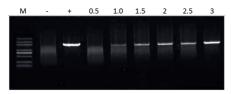


插入片段大小为1 kb

插入片段大小为5 kb

### 2. 土壤农杆菌 (A.tumefaciens) 菌液PCR

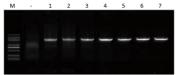
模板处理:10 μL菌液+30 μL NaOH溶液(25 mM), 98°C热处理10 min, 取 1~3 μL裂解产物(50 μL体系)为模板进行增,结果如下图:



"-/+"分别为阴性、阳性对照,从左至右模板量依次增加

### 3.苏云金芽胞杆菌 (B.thuringiensis) 菌液PCR

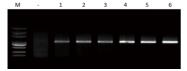
模板处理: 挑取适量菌落+30 μL NaOH溶液( $25 \, \text{mM}$ ), $98^{\circ}$ C热处理10 min,取1~5 μL裂解产物( $50 \, \mu$ L体系)为模板进行扩增,结果如下图:



"-"为阴性对照,"1-7"为不同菌落样品

#### 4. 毕赤酵母菌株 (P.Pastoris KM71) 菌液PCR

模板处理:10 μL酵母菌液+30 μL NaOH溶液(25 mM),98°C热处理10 min,取1 μL裂解产物(50 μL体系)为模板进行扩增,引物为Y1-F/R。扩增结果如下图:



"-"为阴性对照,"1-6"为不同菌落样品

## 保存条件

-25~-15°C保存,保质期2年,≤0°C运输。

## 常见问题与解决方法

常见问题	可能原因	解决方法
无产物或 产物量少	引物退火效率低	重新设计引物或从5'端加长引物
	退火温度不合适	设置退火温度梯度(推荐以2℃为梯度), 得到合适的退火温度
	引物浓度过低, 引物降解	适当增加引物用量或重新合成引物
	延伸时间过短	增加延伸时间至30 s/kb
	循环数过低	增加循环数至35~40个循环
	模板降解或用 量不合适	确保模板质量良好,同时可根据模板种类设置 用量梯度,得到最合适的用量
	样品难裂解, 未释放出足量DNA	对样品进行预处理以促进DNA释放, 如煮沸裂解、碱裂解、溶菌酶预处理等
存在非特异 性扩增或条 带弥散	引物特异性差	重新设计高特异性引物
	退火温度不合适	设置退火温度梯度(推荐以2℃为梯度), 得到合适的退火温度
	延伸时间过长 或过短	可根据非特异条带大小调整延伸时间,若杂带小于 目的片段,可适当增加延伸时间,若杂带大于目的 片段,可适当减少延伸时间
	循环数过高	适当降低循环数
	模板用量过多	减少模板用量或将模板稀释后扩增
阴性对照扩增 出条带	环境或气溶胶污染	使用Trelief® Solution核酸清洁液(目录号:TSP001) 对操作环境及空气进行清洁处理
	PCR体系污染	使用无菌耗材,及时更换枪头

## 技术支持

本公司产品使用过程中如有任何疑问与建议,欢迎随时与我们联系: product@tsingke.com.cn。

### | 关联产品推荐 \

产品名称	货号	应用
FlashPure 快速质粒小提试剂盒	DLN702	适用于1~5 mL菌液质粒DNA快速提取
T载体菌检试剂	DLP601	适用于TA克隆蘭落鉴定实验
pClone007 通用型TA 克隆试剂盒	DLV103	适用于平、黏末端TA克隆
Trelief *无缝克隆试剂盒	DLV201-20	适用于无缝克隆与定点突变等实验
Trelief * 5α感受态细胞	DLC101	适用于常规克隆、蓝白斑筛选等实验



O8

1.1.1.P102.2407

地址: 鄂州市葛店开发区建设大道216号东湖高新智慧城7栋